



FIG. 1A

SEQ ID NO:10	MATTQSCQSRSSACSKAAACFPAAVAVDEEHGHHSHQLKGGAQEEAENDNNKPELRRGPW	*	*	***
SEQ ID NO:14	M-----RKG			
SEQ ID NO:26	MGRPPCC-----DKVGKKGPW			
SEQ ID NO:30	MDK-----KQLCNTSQD-PEVRKGPW			
SEQ ID NO:32	MDK-----K-LGNTSHD-PEVRKGPW			
SEQ ID NO:34	MDK-----KPCDSS-HD-PEVRKGPW			
SEQ ID NO:36	MDK-----KQCKTSQD-PEVRKGPW			
SEQ ID NO:42	MST-----IAKRDLSNNEESELRRGPW			
SEQ ID NO:44	M-----DGKGR-----DLRRGPW			
SEQ ID NO:46	M-----DEKGR-----DLRRGPW			
SEQ ID NO:48	MST-----SKSVSSSEDDNELRRGPW			
SEQ ID NO:50	MST-----SKSVSSSEDDNELRRGPW			
SEQ ID NO:54	MGRPPCC-----DKEGVKKGPW			
SEQ ID NO:63	MDK-----KPC-NSSQD-PEVRKGPW			

1 60

FIG. 1B

SEQ ID NO:10	** * * * *	TVDEDLTLVNYIADNGEGRWNNLARAAGLK--RTGKSCRLRWLNLYLRPDVKRGNFSADE	** * * *
SEQ ID NO:14		TEQEDVQLVWFVRLGERRWDFLAKVSG--LQMSGKSCRLRWVNYLHPGLKGRMSPEE	
SEQ ID NO:26		TPEEDLMLVSYIQEHGAGNWRAPVPTNTGLM--RCSKSCRLRWNTNYLRPGIKRGNFTEQE	
SEQ ID NO:30		TMEEDLILINYIANHGEVWNSLAKAAGLK--RTGKSCRLRWLNLYLRPDVRRGNITPEE	
SEQ ID NO:32		TMEEDLILITYIANHGEVWNSLAKAAGLK--RTGKSCRLRWLNLYLRPDVRRGNITPEE	
SEQ ID NO:34		IMEEDLILINYIANHGEVWNSLAKASGLK--RTGKSCRLRWLNLYLRPDVRRGNITPEE	
SEQ ID NO:36		TMEEDLILMNYIANHGEVWNSLAKAAGLK--RNGKSCRLRWLNLYLRPDVRRGNITPEE	
SEQ ID NO:42		TLEEDSLLIHYIARHGEGRWNMLAKSAGLK--RTGKSCRLRWLNLYLKPDIKRGNLTPQE	
SEQ ID NO:44		TVDEDLTLINYVATHGEGRWNTLALSAGLK--RTGKSCRLRWLNLYLRPDVRRGNITLEE	
SEQ ID NO:46		TVDEDLTLINYIATHGEGRWNTLALSAGLK--RTGKSCRLRWLNLYLRPDVRRGNITLEE	
SEQ ID NO:48		TLEEDNLLSQYIFNHGEGRWNLLAKRSGLK--RTGKSCRLRWLNLYLKPDVKRGNLTPQE	
SEQ ID NO:50		TLEEDNLLSQYISSEHGEGRWNLLAKRSGLK--RTGKSCRLRWLNLYLKPDVKRGNLTPQE	
SEQ ID NO:54		TPEEDIILVSYIQEHGPGNWRAPVPAKTGLS--RCSKSCRLRWNTNYLRPGIKRGNFTEQE	
SEQ ID NO:63		TMEEDLILINYIANHGEVWNSLAKAAGLK--RTGKSCRLRWLNLYLRPDVRRGNITPEE	

61 120

121

FIG. 1D

SEQ ID NO:10	-----MRYLWMPHLADDDVTIAAANDDD-EDHHNLRLLVLHHQAAQ	*	*	*
SEQ ID NO:14	-----HH-----NDNDDDDDRNSS-SSSSSSNSNSNLQQPQ-			
SEQ ID NO:26	GGRGDGDGGKSVKAAAPKGQWERRLQTDIHTARQALRDALS-----LDHPDPSPAT			
SEQ ID NO:30	-----NSEINDHQAS--TSHVSTMAEPMETYSPPF			
SEQ ID NO:32	-----SEIYHPQAC--TSQVSTMAQPIETYSPPS			
SEQ ID NO:34	-----ENSNNDHQASNS-TSKVSTMAHPNETFFSSPS			
SEQ ID NO:36	-----NSEINDHQAS--TSHVSTMAEPMEMYSPPC			
SEQ ID NO:42	-----KKCFWMPRLLQK--MEQSNP--SPHHSSM-----TNMM			
SEQ ID NO:44	-----MRYIWMPRLVE-----RI-QATAAASAPQPVTVPPRP			
SEQ ID NO:46	-----MXYLXXXKARG-THSSSGDGP RN-HHRNCGRHQQCIHLRXQP			
SEQ ID NO:48	-----VRRFWMPRLLQK--AKESSSSNM-SIQNQAI PMPFDYVSQHL			
SEQ ID NO:50	-----VRRFWMPRCFKK--PKNH-----LLQPCQFKTRQL			
SEQ ID NO:54	-GSFGEFSASRQI-----PRGQWERRLQTDIQMAKRALSEALSPKKPCL SASNSNP SD			
SEQ ID NO:63	-----MS-----LEINDHHHHHPHQPS-SSQVSNLVEPMETYSPTS			

181 240

FIG. 1E

SEQ ID NO:10	HLQQAAGGAANDLAAGAYDVRQL--HALPSSGMAATSSSDSLASESYDDGGLLFAN
SEQ ID NO:14	-----PEDE-----SSASGSLQAQHEDQHQLFLH-PLWNDDIIVDVCWSSSTNVVA
SEQ ID NO:26	AAAAATPAGSSAA---YASSADNIARLLQGWMR--PGGGGGNGKGPEA---SGSTST
SEQ ID NO:30	YQGML-----EPFSS-----
SEQ ID NO:32	YQGML-----DPFS-----
SEQ ID NO:34	YQATF-----EPFQP-----
SEQ ID NO:36	YQGML-----EPFST-----
SEQ ID NO:42	NLGNSG--EASMSSSFNINPSMSSSPKGNLLWM-----MP-----NHF-
SEQ ID NO:44	-----TMHTPTEAT
SEQ ID NO:46	YTTKFEVLNKHGRMGLTDPVANNDVFVGSHTQRYPTPENSSSTGASSDSFGTQVSTISD
SEQ ID NO:48	TVGTIPPWQGPCMNEAGPTYMDQHEQTQTRNTNNGSCISLSESANIPKVP-----QHFG
SEQ ID NO:50	L-----CLLMV---FLS-----IQL-----
SEQ ID NO:54	SSSSFSTKPTTTQSVCYASSADNIARMLKGWMKNPPKSSRTNSSMTQNSFNLAGADTA
SEQ ID NO:63	YQGTL-----EPF-P-----

241 300

FIG. 1F

SEQ ID NO:10	LRAGEMLMGCDWAAQQAQGL-----WPPPPPPPSDLDQSVVQAAGAGAGQFQ----	D
SEQ ID NO:14	PP-----PM-----PAS----	
SEQ ID NO:26	TATTQQPQCSGEGAASA-----SASASQGAATAAATAQT-----PECS	
SEQ ID NO:30	-----IQFP-----T	
SEQ ID NO:32	-----IQFP-----T	
SEQ ID NO:34	-----QFL-----Q	
SEQ ID NO:36	-----QFP-----T	
SEQ ID NO:42	---KYYVQ---PHQSI PRF-----LPIFTAT-----	
SEQ ID NO:44	L-----ITTNSRFTITRA-----	
SEQ ID NO:46	LTENSSVPENTNSADY--YQPSQISNY--SDNCITSPSGFLFPQGLDLQSM-----	
SEQ ID NO:48	HTTITQFHAL---NTNDFGTFTYEGYN--VNNNVYEMDNFKTTTWTWVAEDAQYPIGDCQ	
SEQ ID NO:50	---LGPYHHI---HT-----PLG----	
SEQ ID NO:54	CSSGAKGPLSSAELSENNFESL----FDFDQSLSSSDQFSQSL-----PEAT	
SEQ ID NO:63	-----TQFP-----T	

301

360

FIG. 1G

SEQ ID NO:10	MELSGWV-----QGFSEITDNFWALEEIWKMQ.-----
SEQ ID NO:14	---PLWDID-----DAFFCSDYSLPLWG.-----
SEQ ID NO:26	TETSK---MATGGAGGAPAFSMLSWLLDDGGMGLMDVPLGDPSEFF
SEQ ID NO:30	INPDQ-----SSCCTNDNNSINYWSMEDIWSMQLLN---GD.---
SEQ ID NO:32	-NPHH-----SSCCTNDNNDNN-NYWSMEDIWSMQL-A---NY.---
SEQ ID NO:34	SMINQ-----VVVPATT-----TIGASRISGRLC---NYSMEIN
SEQ ID NO:36	INPDQ-----SSCCTNDNNN-INYWSMEDSWSMQLLN---G-----D
SEQ ID NO:42	-----KWG-----
SEQ ID NO:44	-PNTPWNMQSGDSSDN-----FWDVESMLFLEQQQL---MNDNM-
SEQ ID NO:46	MVGSNWV-----NNDFACNMWNMDLWQFSKLQ-----K
SEQ ID NO:50	-----RDLV.-----
SEQ ID NO:54	VLQDE---SKPDINIAAEIMPFSLLLEKWLLEAGCQEKLVGCCGDAK-FF
SEQ ID NO:63	INNDH-----HQNSNCCANDNNNN-NYWSMEDIWSMQLLN---G-----D

361 410